

#NEXUS
[File created by TreeBASE: 8/27/09 12:49:05]
[Matrix accession#: M4687]
BEGIN DATA;
DIMENSIONS NTAX=80 NCHAR=3596;

[!This data set was downloaded from TreeBASE, a prototype relational database of phylogenetic knowledge. TreeBASE has been supported by the NSF, Harvard University, and UC Davis. Please do not remove this acknowledgment from the Nexus file.
TreeBASE © 1994-2009.

Study reference:

Boehm, E. W. A., C. L. Schoch, and J. W. Spatafora. 2009. On the evolution of the Hysteriaceae and Mytiliniaceae (Pleosporomycetidae, Dothideomycetes, Ascomycota) using four nuclear genes. Mycological Research. 113: 461-479. doi:10.1016/j.mycres.2008.12.001

Study accession number = S2461
Matrix accession number = M4687

] FORMAT SYMBOLS = " A C D E F G H I K L M N P Q R S T V W Y " MISSING = ? GAP = - INTERLEAVE ;
MATRIX

'Botryosphaeria_ribis_CBS_115475',
'Delphinella_strobiligena_CBS_735_71',
'Cladosporium_cladosporioides_CBS_170_54',
'Myriangium_duriaei_CBS_260_36',
'Hysteropatella_clavispora_CBS_247_34',
'Tubefuaria_cereae_CBS_254_75',
'Phaeosphaeria_eustoma_CBS_573_86',
'Tubefuaria_paludosa_CBS_245_49',
'Ulospora_bilgramii_CBS_110020',
'Delitischia_winteri_CBS_225_62',
'Pleomassaria_siparia_CBS_279_34',
'Verruculina_enaliala_CBS_304_66',
'Lophiostoma_arundinis_CBS_621_86',
'Lophium_mytilinum_CBS_269_34',
'Helicomyces_roseus_CBS_283_51',
'Macrophoma_phaseolina_CBS_227_33',
'Farlowiella_carmichaelina_CBS_206_36',
'Hysteropatella_elliptica_CBS_935_97',
'Elsinoe_veneta_CBS_150_27',
'Elsinoe_phaseoli_CBS_165_31',
'Dothidea_sambuci_DAOM_231304',
'Preussia_terricola_DAOM_230091',
'Schimatomma_decolorans_DUKO_0047570',
'Phaeodithia_winteri_CBS_182_58',
'Alternaria_alternata_CBS_916_96',
'Cochliobolus_heterostrophus_CBS_134_39',
'Rhytidhysterium_rufulum_CBS_306_38',
'Columbosphaeria_fagi_CBS_254_75',
'Bimuria_novae_zelandiae_CBS_107_79',
'Capnodium_coffeae_CBS_147_52',
'Rocellographa_cretacea_14310a',
'Mycosphaerella_punctiformis_CBS_113265',
'Botryosphaeria_dothidea_CBS_115476',
'Aliquandostipite_khaoyaiensis_P28_1',
'Athopyrenia_salicis_CBS_368_94',
'Hysterographium_fraxini_CBS_109_43',
'Glonium_compactum_CBS_112412',
'Gloniopsis_praelonga_CBS_112415',
'Gloniopsis_smilacis_CBS_114601',

PVPIISGFNGDNMIEASTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDSIDPPVPRSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
AFVPIISGFNGDNMIEPSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDNSTNCPWYKGWEKETKA-KVTGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
??
PVPIISGFNGDNMIDASNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KTTGKTLLEAIDAIDPEAPRSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSTNCPWYKGWEIKEKT-KATGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKSGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KYTGKTLLEAIDAIDPEAPRSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKS-KSSGKTLLEAIDSIDPPTRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPSNVYTE
AFVPIISGFNGDNMIOASTNCPWYKGWEKETKGSAGKTLLEAIDAIDPEAPRSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPSNVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSTNCPWYKGWEIKEKA-KVTGKTLLEAIDAIDPPKRPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSSNCPWYKGWEKETKT-KTTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSSNCPWYKGWEKETKT-KYSGKTLLEAIDAIDPEAPRSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEASTNCPWYKGWEKETKT-KTTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSTNCPWYKGWEIKEKT-KVTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
AFVPIISGFNGDNMIDVSAANCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAID??
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWE?ESKAGAAKTLLEAIDAIDNIDPPQRPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAN????
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KATGKTLLEAIDAIDNPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKPGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEASNCPWYKGWEKETKA-KATGKTLLEAIDAIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKS-KATGKTLLEAIDAIDTPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPQNAWPYKGWEKETKA-KVTGKTLLEAIDAIDPPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKSGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDMPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
?????????GDNMIEASTNCPWYK?WEKETKT-KSTGKTLLEAIDSIDAIVRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
??
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KSSGKTLLEAIDSIDPPSRPTDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKSGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKSGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKSGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSPNCPWYKGWEKETKTAKSSGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KASGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
??
PFVPIISGFNGDNMIEPSPNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSSNCPWYKGWEKETKS-KSTGKTLLEAIDAIDPPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDASNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSSNCPWYKGWEKETKA-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
??
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPSRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIEPSTNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDTPRPSDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPAGVYTE
??
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPAGVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSSNCPWYKGWEKETKT-KSTGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGIIKAGM VVTFAPANVYTE
PFVPIISGFNGDNMIDVSPNCPWYKGWEKETKTAKASGKTLLEAIDAIDPPARPDKPLRLPLQDDVYKIGGI GTVPVGRVETGVIKAGM VVTFAPANVYTE
??
??
??
??
??
??

'Botryosphaeria_ribis_CBS_115475',
'Delphinella_strobiligena_CBS_735_71',
'Cladosporium_cladosporioides_CBS_170_54',
'Myriangium_duriaei_CBS_260_36',
'Hysteropateella_clavisporea_CBS_247_34',
'Tubefuaria_cerea_CBS_254_75',
'Phaeosphaeria_eustoma_CBS_573_86',
'Tubefuaria_paludosa_CBS_245_49',
'Ulopora_bilgramii_CBS_110020',
'Delitschia_winteri_CBS_225_62',
'Pleomassaria_siparia_CBS_279_34',
'Verruculina_enalia_CBS_304_66',
'Lophiostoma_arundinis_CBS_621_86',
'Lophium_mytilinum_CBS_269_34',
'Helicomyces_roseus_CBS_283_51',
'Macrophomia_phaseolina_CBS_227_33',
'Farlowiella_carmichaelina_CBS_206_36',
'Hysteropateella_elliptica_CBS_935_97',
'Eisinoe_veneta_CBS_150_27',
'Eisinoe_phaseoli_CBS_165_31',
'Dothidea_sambuci_DAOM_231304',
'Preussia_terricola_DAOM_230091',
'Schimatomma_decolorans_DUKE_0047570',
'Phaeodothis_winteri_CBS_182_58',
'Alternaria_alternata_CBS_916_96',
'Cochliobolus_heterostrophus_CBS_134_39',
'Rhytidhysterium_rufulum_CBS_306_38',
'Columosphaeria_fagi_CBS_254_75',
'Bimuria_novae_zelandiae_CBS_107_79',
'Capnodium_coffeae_CBS_147_52',
'Roellographa_cretacea_14310a',
'Mycosphaerella_punctiformis_CBS_113265',
'Botryosphaeria_dothidea_CBS_115476',
'Aliquandostipite_khaoyaiensis_P28_1',
'Arthopyrenia_salicis_CBS_368_94',
'Hysterographium_fraxini_CBS_109_43',
'Glonium_compactum_CBS_112412',
'Gloniopsis_praelonga_CBS_112415',
'Gloniopsis_smilacis_CBS_114601',
'Mytilinidion_rhenanum_CBS_135_34',
'Ostreichnion_curtisii_CBS_198_34',
'Gloniopsis_smilacis_CBS_200_34',
'Glonium_lineare_CBS_206_34',
'Glonium_stellatum_CBS_207_34',
'Hysterium_angustatum_CBS_236_34',
'Hysterium_hyalinum_CBS_237_34',
'Hysterium_insidens_CBS_238_34',
'Hysterographium_mori_CBS_245_34',
'Mytilinidion_australe_CBS_301_34',
'Mytilinidion_mytilinellum_CBS_303_34',
'Mytilinidion_resinicola_CBS_304_34',
'Mytilinidion_scolocosporum_CBS_305_34',
'Mytilinidion_tortile_CBS_306_34',
'Ostreichnion_sassafras_CBS_322_34',
'Hysterographium_fraxini_CBS_242_34',
'Glonium_compactum_CMW_17941',
'Gloniopsis_praelonga_CMW_18053',

23 'Ostreichnion_curtisii_CBS_198_34',
 24 'Mytilinidion_rhenanum_CBS_135_34',
 25 'Lophiostoma_arundinis_CBS_621_86',
 26 'Phaeosphaeria_eustoma_CBS_573_86',
 27 'Mytilinidion_tortile_CBS_306_34',
 28 'Hysteroglyphium_mori_CBS_245_34',
 29 'Hysterium_angustatum_CBS_236_34',
 30 'Gloniopsis_praelonga_CBS_112415',
 31 'Arthopyrenia_salicis_CBS_368_94',
 32 'Columnosphaeria_fagi_CBS_254_75',
 33 'Alternaria_alternata_CBS_916_96',
 34 'Pleomassaria_siparia_CBS_279_34',
 35 'Botryosphaeria_ribis_CBS_115475',
 36 'Hysterium_angustatum_CMW_20409',
 37 'Gloniopsis_praelonga_CMW_19983',
 38 'Gloniopsis_praelonga_CMW_18053',
 39 'Gloniopsis_smilacis_CBS_200_34',
 40 'Gloniopsis_smilacis_CBS_114601',
 41 'Roccellographa_cretacea_14310a',
 42 'Phaeodothis_winteri_CBS_182_58',
 43 'Preussia_terricola_DAOM_230091',
 44 'Glonium_circumserpens_EB_0331',
 45 'Glonium_circumserpens_EB_0332',
 46 'Hysterium_insiders_CBS_238_34',
 47 'Hysterium_hyalinum_CBS_237_34',
 48 'Helicomycetes_roseus_CBS_283_51',
 49 'Verruculina_enalia_CBS_304_66',
 50 'Delitschia_winteri_CBS_225_62',
 51 'Ulospora_bilgramii_CBS_110020',
 52 'Myriangium_duriaei_CBS_260_36',
 53 'Lophium_mytilinum_CBS_114111',
 54 'Hysterium_angustatum_EB_0324',
 55 'Hysteroglyphium_mori_EB_0304',
 56 'Hysteroglyphium_mori_EB_0243',
 57 'Hysteroglyphium_mori_EB_0315',
 58 'Hysteroglyphium_mori_EB_0249',
 59 'Gloniopsis_praelonga_EB_0154',
 60 'Glonium_stellatum_CBS_207_34',
 61 'Glonium_compactum_CBS_112412',
 62 'Capnodium_coffeae_CBS_147_52',
 63 'Dothidea_sambuci_DAOM_231304',
 64 'Lophium_mytilinum_CBS_269_34',
 65 'Tubeuflia_paludosa_CBS_245_49',
 66 'Phaeosphaeria_nodorum_SN_15',
 67 'Hysterium_andinense_EB_0330',
 68 'Glonium_compactum_CMW_18760',
 69 'Glonium_compactum_CMW_17941',
 70 'Elsinoe_phaseoli_CBS_165_31',
 71 'Hysterium_pulicare_EB_0238',
 72 'Glonium_lineare_CBS_206_34',
 73 'Hysterium_sinense_EB_0333',
 74 'Lophium_mytilinum_EB_0248',
 75 'Elsinoe_veneta_CBS_150_27',
 76 'Tubeuflia_cerea_CBS_254_75',
 77 'Glonium_lineare_EB_0313',
 78 'Glonium_lineare_EB_0312',
 79 'Glonium_lineare_EB_0311',
 80 'Glonium_lineare_EB_0309',

```
TREE 'Fig. 3' = [&R]
(7, (16, ((32, (12, 63)), (41, (2, 1)), (52, (70, 75))), ((27, (6, (22, 67))), (74, (4, (14, 24))))) , (60, (44, 45))), ((50, (49, 51)), (34, (31, ((33, 3), (66
, 26)), (42, 62))), (43, 25))), ((21, (38, (57, (40, 39)), (58, 55))), ((23, (36, (29, (71, 54))), ((79, 80), (78, 77)), (72, (69, (68, 61))))) , (17, ((5, (73, (28, 4
6))), (20, (37, (59, 30))))) , (47, (13, 15))), (8, 10)), ((9, 11), ((35, (19, 18)), (76, (48, 65))))) ;
```

END;